

Специализирано обучение „Идентификация на специфични компетентни вектори, чрез модерни молекулярно-биологични методи (ДНК баркодинг)”, Модул 2

В периода от 9-ти до 13-ти септември 2019 г. се проведе **втори модул на специализираното обучение „Идентификация на специфични компетентни вектори, чрез модерни молекулярно-биологични методи (ДНК баркодинг)”** в рамките на международен проект, финансиран от Европейския орган по безопасност на храните, изпълняван от Център за оценка на риска по хранителната верига (ЦОРХВ).

Модул 2 беше структуриран в лекционна, теренна и лабораторно-практическа част.

Вторият модул на обучението се осъществи от 9-ти до 10-ти септември 2019 г. в област Благоевград и от 10-ти до 13-ти септември 2019 г. – в гр. София. Периодът и мястото за улов са съобразени с активността на специфичните компетентни вектори за този регион в България.

Основен акцент в този модул бяха **лабораторните дейности за извършване на ДНК баркодинг** за идентификация на специфични компетентни вектори от видовете: *Colecuides*, *Mosquitoes*, *Phlebotomides*.

В програмата на обучението бяха представени теми, свързани с векторната идентификация и ролята на векторите като преносители на патогени. Лектори бяха д-р Франсис Шафнер и проф. Александър Матис от **Института по паразитология, Университет Цюрих, Швейцария** (Европейска референтна лаборатория за арбовирусни инфекции).

В обучението участваха експерти от ЦОРХВ, Национален диагностичен научноизследователски ветеринарно медицински институт (НДНВМИ), Ветеринарно медицински факултет (ВМФ) към Тракийски университет, гр. Стара Загора и Факултет по ветеринарна медицина към Лесотехнически университет, гр. София.

Участниците затвърдиха знанията и уменията си в основните техники за улов и морфологична идентификация на компетентни вектори. За улова бяха използвани 6 капана модел EVS и 1 капан модел CDC, които бяха разположени в два животновъдни обекта (за едри и дребни преживни животни) в област Благоевград.

В резултат на извършения улов и морфологичната идентификация на компетентни вектори от двата модула, в лаборатория на НДНВМИ, векторите бяха групирани и анализирани. Беше екстрахирана нуклеинова киселина от специфични за всеки вектор части от тялото на инсектите. Проведена беше реакция PCR за удостоверяване на успеха на екстракцията, а чрез нано дроп беше измерен добива на ДНК. **Подготвените проби за анализ чрез ДНК баркодинг ще бъдат изпратени за секвениране в специализираната лаборатория в Германия. Сравняването на секвенциите чрез базата данни, намираща се в генетичната банка на ЕС, ще даде възможност за точното определяне на съответствието между молекулярно биологичните и морфологичните резултати от изследването, което е и една от основните цели на този проект.**