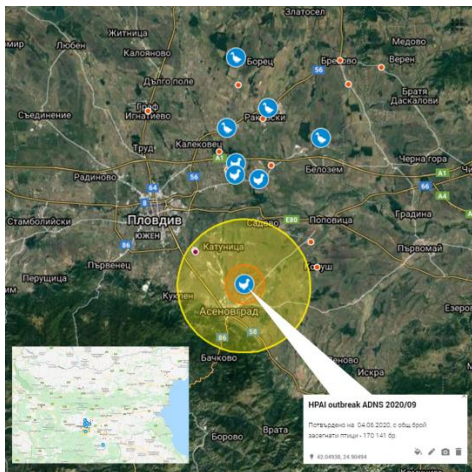




Коментар на резултати от частичен секвентен геномен анализ на изолат на Инфлуенца А НРАІ Н5N8 вирус в обект за отглеждане на кокошки носачки на територията на общ. Асеновград с рег. No. 3BG16001, ГР. АСЕНОВГРАД, ОБЛ. ПЛОВДИВ

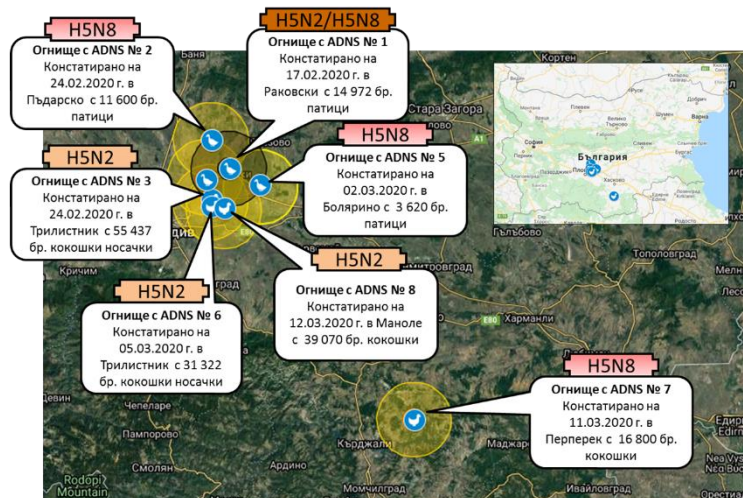
Вирусът НРАІ Н5N8 А / пиле / България / 380-1_20VIR3542-1 / 2020 е изолиран на 03/06/2020 в област Пловдив в обект за отглеждане на кокошки носачки на територията на общ. Асеновград, с рег. No. 3BG16001 (Фиг. 1).



Фиг.1. Огнище на Инфлуенца А НРАІ Н5N8 България / 217_20VIR1724-1 / 2020 в обект за отглеждане на кокошки носачки на територията на общ. Асеновград, с рег. No. 3BG16001

Генетичните сегменти на HA и NA на този вирус на Н5N8 се групират заедно и с Н5N8 вируси, циркулиращи в България през 2017-2020 г. По-специално, тя е силно свързана (99,7% и 99,4% сходство за гените HA и NA, съответно) с вируса Н5N8 А / пиле / България / 217_20VIR1724-1 / 2020 от огнище 7 (кокошки носачки), събрани от Пловдив през март 2020 г. Те са силно генетично свързани (прилика от 99,7% за гена на хемаглутинаина (HA) с вируса от огнище 2020/7 (кокошки-носачки), събрани от Кърджали, показва идентичност от 99,2-99,4% за HA ген с другите вирусни изолати от региона на гр. Раковски от м. март 2020 показани на следващата фигура.

**Референтна лаборатория на Европейската общност (EURL):
Генетична характеристика на ВПИП H5Nx в България
(11.02-22.03.2020 г.)**



Дирекция „Политики по агрохранителната верига“, МЗХГ

Фиг.2 Огнище на Инфлуенца А НРАI H5N8 България в обект за отглеждане на кокошки носачки на територията на общ. Перперек, обл. Кърджали – ЕО-7.

От епизоотологичното проучване на ЕО No 7 от гр. Кърджали стана ясна и евентуална връзка за нахлуване на вирус НРАI H5N8 с фактът, че обща е колата, собственост на пловдивска фирма, която доставя корите за яйца във фермата и циркулира между останалите ферми в региона на гр. Раковски.

Наличието на генетична хомоложност между изолатите на вирус НРАI H5N8 на Инфлуенца А между ферма за кокошки носачки рег. No. 3BG16001, ГР. АСЕНОВГРАД, ОБЛ. ПЛОВДИВ и ферма за кокошки носачки от гр. Кърджали с хомоложност 99.7% на НА – я ген показва най-скорошните (във времето) еволюционни промени на вируса и насочва за най-вероятен негов предшественик ЕО от фермата за кокошки носачки No.7 в гр. Кърджали.



Фиг. 3. Maximum Likelihood phylogenetic tree, показващ местоположението на изолат A chicken_Bulgaria_380_1_20 VIR3542-1_2020_H5N8, показващ идентичност от 99,7 и 99,4% за НА и NA гените с вирусния изолат от с.

гр. София, 1618, бул. ”Цар Борис III” № 136
<http://corhv.government.bg>, corhv@mzh.government.bg

тел. 02/4273056



Плачковци, общ. Кърджали от м. март 2020 показани на следващата фигура (ЕО 7).

Тези данни показват и друго, че вирусите от предишната епизоотична вълна на Инфлуенца А в България от периода 2017-20 г. все още циркулират в нашите ферми и, че те не са били уловени от съществуващата и изпълнявана в момента програма за надзор и самоконтрол в нашите ферми.

Източник:

1. Genetic characterization of the HA and NA gene segments of a HPAI H5N8 virus identified in Bulgaria in June 2020 Istituto Zooprofilattico Sperimentale delle Venezie, Legarno, Padova, Italy

Изготвил:

Проф. Георги Георгиев, д.в.м.н.
Директор на ЦОРХВ - София